

รหัสโครงการ : RDG5550071
ชื่อโครงการ : การคัดเลือกจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพสูงในการย่อยอาหารขี้แป้ง
ชื่อนักวิจัย : ชูไนน์ เจ็มมะลี
สาขาวิชา: สาขาวิชาชีววิทยาประยุกต์ คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยีฯ มหาวิทยาลัย
 อิสลามยะลา
โทรศัพท์ : 073418609
E-mail : s4545305@hotmail.com
ระยะเวลาโครงการ : 1 สิงหาคม 2555 ถึง 31 กรกฎาคม 2556

บทคัดย่อ

หากขี้แป้งเป็นของเสียจากการผลิตน้ำยาหางขัน มีองค์ประกอบของธาตุอาหารพืช แต่ย่อยสลาย ข้าตามธรรมชาติ ดังนั้นจึงได้คัดเลือกจุลินทรีย์ที่มีประสิทธิภาพสูงในการย่อยอาหารขี้แป้ง ซึ่งช่วยลดกลิ่นและ สามารถนำอาหารขี้แป้งไปประยุกต์ใช้ในอุตสาหกรรมปุ๋ย งานวิจัยนี้ได้คัดเลือกจุลินทรีย์จากอาหารขี้แป้งที่หับนม เป็นเวลา 1 สัปดาห์ 1 และ 3 เดือน ผสมคลุกเคล้ากัน โดยวิธีการผสมอาหารขี้แป้งร้อยละ 15 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ NA และอีกวิธีคือ ผสมอาหารขี้แป้งในสารละลายเบปโนร้อยละ 0.5 และทำการ pour plate ที่ระดับความ เชื้มขั้นต่างๆ จากการทดลองพบว่า จุลินทรีย์ที่คัดเลือกจากอาหารขี้แป้งและทำการ streak plate บนอาหารเลี้ยง เชื้อ NA สังเกตความแตกต่างของลักษณะโคลนีและโครงสร้างภายในตัวกล้องจุลทรรศน์มีทั้งหมด 8 ไอโซเลท เมื่อได้ จุลินทรีย์แล้วจึงทดสอบการย่อยอาหารขี้แป้งในจานเพาะเลี้ยงโดยเชื้อดีเยว่า พบร้า เชื้อไอโซเลทที่ 4 มีการขยาย ขนาดโคลนีบนอาหารวุ้น (agar) ที่ผสมอาหารขี้แป้งร้อยละ 15 สูงกว่าเชื้อไอโซเลಥื่นๆ จากนั้นศึกษาความเชื้มขั้น อาหารขี้แป้งที่เหมาะสมต่อการเจริญของเชื้อไอโซเลทที่ 4 พบร้า อาหารขี้แป้งเชื้มขั้นร้อยละ 40-50 ที่ผสมในอาหาร วุ้น (agar) ส่งเสริมการขยายขนาดโคลนีได้ดี และทดสอบการย่อยอาหารขี้แป้งโดยเชื้อผสมไอโซเลทที่ 1 4 และ 8 เชื้อ กลุ่มไอโซเลทที่ 1-8 เปรียบเทียบกับเชื้อดีเยว่าไอโซเลทที่ 4 ในจานเพาะเลี้ยงที่มีอาหารขี้แป้งเชื้มขั้นร้อยละ 50 พบร้า เชื้อดีเยว่าไอโซเลทที่ 4 ยังคงให้การขยายขนาดโคลนีสูงกว่ากลุ่มเชื้อในชุดทดลองอื่นๆ และทดสอบการย่อยสลาย อาหารขี้แป้งในสภาพการหมักแบบเปียก (จุลินทรีย์ต่ออาหารขี้แป้ง 1:1 โดยน้ำหนัก) และแบบแห้ง (จุลินทรีย์ต่ออาหารขี้ แป้ง 1:5 โดยน้ำหนัก) เป็นเวลา 30 วัน โดยใช้จุลินทรีย์ที่ขยายแต่ละชุดทดลองจำนวน 10^6 CFU/ml พบร้า เชื้อไอโซเลทที่ 4 ย่อยสลายอาหารขี้แป้งได้ดีกว่ากลุ่มเชื้ออื่นๆ รวมทั้งกลุ่มเชื้อทางการค้าด้วย โดยจุลินทรีย์ย่อยอาหารขี้แป้งได้ ดีในกระบวนการหมักแบบเปียกที่ใช้จุลินทรีย์ขยายต่ออาหารขี้แป้ง 1:1 โดยน้ำหนัก สอดคล้องกับผลการทดลองการย่อยสลาย อาหารขี้แป้งในจานเพาะเชื้อในเบื้องต้น โดยสังเกตจากค่า pH อุณหภูมิและปริมาณจุลินทรีย์รวมที่มีการเปลี่ยนแปลง อย่างรวดเร็วเห็นได้ชัดในทุกๆ 5 วัน ปริมาณของเชื้อรวม ปริมาณของเชื้อที่คงอยู่และปริมาณในตอรเจนรวมมีค่า ลดลง ในขณะที่ปริมาณความชื้น ปริมาณของเชื้อที่หายได้ ปริมาณฟอสฟอรัสและโพแทสเซียมมีค่าเพิ่มขึ้น ซึ่ง ค่าที่ได้ก่อนและหลังการหมัก 30 วัน มีการเปลี่ยนแปลงอย่างชัดเจน และเมื่อนำเชื้อไอโซเลทที่ 4 ไปตรวจวิเคราะห์ ปรากฏว่าเป็นเชื้อ *Bacillus spp.*

Project code: RDG5550071
Project title: Isolation of Effective Microorganisms to Degrade Sludge
Investigator: Suhaimin Chehmalee
Telephone number: 073-418609
E-mail: s4545305@hotmail.com
Project duration: 1 August 2012 to 31 July 2013

Abstract

Centrifuged sludge is waste from concentrated latex manufacturing process containing some plant nutrient elements, but slowly degrades naturally. Thus, the isolation of effective microorganism to degrade sludge could reduce odor and used as industrial fertilizer. In this study, isolation of microorganism from sludge at 1 week, 1 and 3 months old were carried out on nutrient agar (NA) added with 15% sludge as well pour plate technique of 0.5% peptone solution with varied amount of sludge. Eight isolates were isolated on NA. Each isolate were used for screening of sludge-degrading ability on NA supplemented with 15% sludge by using point inoculation technique. It was found that isolate 4 gave higher colony diameter than another isolate. Concentration of sludge on colony diameter of isolate 4 was investigated. The result showed that 40-50% sludge containing agar gave the highest colony diameter. The sludge degradation efficiency by mixed isolate (1,4 and 8 and 1-8) compared with single isolate 4 were compared on agar adding 50% sludge. Isolate 4 also gave higher colony diameter than mixed isolate. The sludge degradation efficiency of the microorganisms was monitored for 30 days. Comparing submerge (microorganism: sludge as the ratio of 1:1 (w/w)) and dry (1:5 (w/w)) system of fermentation using 10^6 CFU/ml of total microbial count from each treatment. The studied found that Isolate 4 gave the highest pH, temperature and total microbial count when compared with mixed isolate and commercial microorganisms (EM; effective microorganism) by submerge system for 20 days. Total solid content, fixed solid content and total nitrogen were lowered whereas moisture content, total phosphorous and potassium were higher when compared between initial and after 30 days of fermentation, the isolate 4 was identified as *Bacillus spp.*